**会议议程**

**10月18日，星期日**

16:00—20:00 注册与签到

**10月19日，星期一ENCODE专场**

07:00--08:00早餐

08:00--08:15 开幕式

08:15--08:30 合影

08:30--09:20 **陈润生**, 中科院生物物理研究所, 中国

 (报告题目: )

9:20--09:45 **Ross Hardison**, 宾夕法尼亚州立大学, 美国

 (报告题目: )

 09:45--10:00 茶歇

10:00--10:50 **Bing Ren**, 加州大学圣迭亚哥分校,美国

（报告题目: ）

10:50--11:15 **Feng Yue**,宾夕法尼亚州立大学,美国

 (报告题目: )

11:15--11:40 **Tom Gingeras**, 冷泉港实验室,美国

 (报告题目: )

11:40--12:05**屈良鹄**, 中山大学，中国

 (报告题目: )

12:05--13:30 午餐

13:30--13:55韩敬东,中科院上海计算生物学研究所，中国

 (报告题目: )

13:55--14:20杨力, 中科院上海计算生物学研究所，中国

 (报告题目: )

14:20--14:45 Yijun Ruan ,The Jackson Laboratory,USA

14:45--15:00 茶歇

15:00--17:30 **Encode 专题讨论会**，**Feng Yue**

* Navigate ENCODE data:
	+ Learn to use resources for viewing, querying, and downloading ENCODE data
* Analyze ENCODE data:
	+ Learn to use ENCODE web-based and command-line analysis tools
	+ Run ENCODE processing pipelines on your own data (ChIP-seq, RNA-seq, DNase-seq, DNA methylation)
* Use ENCODE data to:
	+ Interpret human variation and personal genomes
	+ Interpret cancer genomes
	+ Identify likely cell types and pathways underlying non-coding disease associations
* Integrate ENCODE data with those from your lab or major projects (e.g., Roadmap Epigenomics, IHEC, TCGA, etc.)

18:00--20:00欢迎晚宴

**10月20日，星期二Epigenome专场**

07:00--08:30 早餐

08:30--09:20 **John Stamatoyannopoulos**, 华盛顿大学，美国

 (报告题目: )

09:20--09:45 **Martin Hirst**, 英属哥伦比亚大学, 加拿大

 (报告题目: )

09:45--10:00 茶歇

10:00--10:25 **刘江**,中科院北京基因组研究所，中国

 (报告题目: )

10:25--10:50 **Ting Wang**, 华盛顿大学-圣路易斯, 美国

 (报告题目: )

10:50--11:15张勇, 同济大学，中国

 (报告题目: )

11:15--11:40 于文强, 复旦大学生物医学研究院，中国

 (报告题目: **DNA Methylation，Challenge and Chance** )

11:40--12:05 **Jason Ernst**, 加州大学洛杉矶分校, 美国

 (报告题目: )

12:05--13:30 午餐

13:30--13:55 **Hillary Sussman**, Genome Research执行编辑, 美国

 (报告题目: )

13:55--14:20 石乐明 ，复旦大学药学院， 中国

 (报告题目: )

14:20--14:45 鲁先平，深圳微芯生物科技有限公司，中国

 (报告题目: )

14:45--15:00 茶歇

15:00--17:30 **Roadmap Epigenome专题讨论会**，**Ting Wang**

* + The NIH Roadmap Epigenomics Project and Engaging current epigenomic resources
	+ Overview of the supplementary website of the Roadmap Epigenomics project
	+ Analysis and visualization of hundreds of epigenomes,
	+ Epigenomic annotation of genetic variants and tutorial of the WashU Epigenome Browser

18:00--20:00 晚餐