复旦大学谈家桢创新大讲堂系列讲座

**表观基因组学暑期国际讲习班日程**

|  |
| --- |
| **2016.08.02（周二）** |
| 13:00-18:00  | 课程学员报到 |
| **2016.08.03（周三）** |
| 8:30-8:35  | 课程开幕式 |
| 8:35-8:45  | 校领导致辞 |
| 8:45-9:00  | 课程学员合影 |
| 9:00-12:00 | 任兵加州大学圣地亚哥分校 | 3D与4D基因组及应用染色质的高级结构与基因调控Hi-C及ChIA-PET在染色质高级结构中的应用染色质高级结构的时空变化与调控 |
| 13:30-16:30 | 表观基因组学与精准治疗肿瘤基因组与表观基因组相互关系肿瘤相关的表观遗传学突变与肿瘤治疗与预后判断单细胞的表观基因组学检测及分析 |
| **2016.08.04（周四）** |
| 9:00-12:00 | 伊成器北京大学 | 表观基因组动态调控与机制DNA去甲基化与TetDNA去甲基化产物5hmc等的生物学意义及检测Tet的生物学意义及功能调控 |
| 13:30-16:30 | 邓大君北京大学 | 表观基因组学与肿瘤发生发展和转移肿瘤发生发展过程的DNA高甲基化与低甲基化的关系肿瘤转移的表观遗传学机制 |
| **2016.08.05（周五）** |
| 9:00-12:00 | 颉伟清华大学 | 表观遗传学的遗传(Epigenetics inheritance）DNA甲基化的遗传问题与争论组蛋白修饰遗传问题非编码RNA的遗传问题精子中的RNA与基因组印记 |
| 13:30-16:30 | Danny Chi Yeu Leung香港科技大学 | 表观基因组学与胚胎发育胚胎发育早期DNA甲基化的动态变化生殖干细胞DNA甲基化动态变化iPS及转分化过程的DNA甲基化动态变化及意义 |
| **2016.08.06（周六）** |
| 9:00-12:00 | 马端复旦大学 | 环境表观遗传学环境毒素与表观遗传学改变环境PM2.5M 与表观遗传学异常 |
| 13:30-16:30 | 李伟复旦大学 | 表观遗传学常用软件及网络资源介绍表观遗传学（DNA甲基化、非编码RNA及组白蛋白）常用软件及网络资源介绍。肿瘤表观基因学常用数据库及网络资源介绍。二代测序数据获取及分析实战。 |
| **2016.08.07（周日）** |
| 9:00-12:00 | 于文强复旦大学 | 细胞核内miRNA功能与疾病miRNA的核内定位分析miRNA与增强子细胞核内miRNA与胞浆miRNA协同与调控细胞核内miRNA作用机制和疾病发生 |
| 13:30-16:30 | 汪海林中科院生态环境研究中心 | DNA损伤修复的表观遗传学DNA损伤修复的基本概念，原理同源重组修复与功能蛋白质组装调控 小分子调控DNA甲基化与去甲基化DNA m6A修饰的功能和动态调控 |
| **2016.08.08（周一）** |
| 9:00-12:00 | 杨运桂中科院北京基因组所 | RNA修饰的表观遗传学RNA的各种不同修饰与分类m6A化学修饰的分布及生物学意义m6A化学修饰的检测及功能研究m6A化学修饰的动态调控 |
| 13:30-16:30 | 杨力中科院上海计算生物学研究所 | 环状RNA与调控环状RNA的产生与分类环状RNA与miRNA调控环状RNA与内含子和外显子的关系环状RNA功能及生物学意义 |
| **2016.08.09（周二）** |
| 9:00-12:00 | 倪挺复旦大学 | 表观遗传调控与基因剪切基因剪切的生物学意义与检测共转录水平的基因剪切与染色质修饰基因剪切的生物信息学分析面临的挑战与策略染色质修饰调控基因剪切的机制与疾病染色质修饰与基因转录起始及转录终止的关系RNA剪切与染色质修饰的相互影响 |
| 13:30-16:30 | 陈云弟药明康德测序中心 | 高通量测序样品制备技巧基因组测序样本制备RNA测序样本制备ChIP样本制备DNA甲基化样本制备 |
| **2016.08.10（周三）** |
| 9:00-12:00 | 岳峰宾夕法尼亚州立大学 | 增强子与基因表达调控增强子与染色质修饰增强子与细胞身份决定增强子序列变异及突变与疾病增强子与基因调控机制 |
| 13:30-16:30 | 张勇同济大学 | ChIP-seq及DNA甲基化分析策略ChIP-seq常用分析策略及问题解析ChIP-seq分析优化及标准化全基因组DNA甲基化分析策略及问题解析 |
| **2016.08.11（周四）** |
| 9:00-12:00 | **Thomas Gingeras**美国冷泉港实验室 | 非编码RNA与功能非编码RNA的种类与调控方式非编码RNA与编码RNA转换非编码RNA与染色质修饰非编码RNA与表观调控复合体非编码RNA与疾病 |
| 13:30-16:30 | 岳峰宾夕法尼亚州立大学 | ENCODE与RoadMap EpigenomicsENCODE项目介绍ENCODE应用软件和资源分享Roadmap表观基因组学资源展示及应用 |
| **2016.08.12（周五）** |
| 9:00-12:00 | **Thomas Gingeras**美国冷泉港实验室 | Circulating RNA（exsome）exome 的概念和功能exome 内RNA与细胞间通信exome 内miRNA与肿瘤转移exome 的检测和研究策略 |
| 13:30-14:30 | **Fred Tyson****美NIH** | 表观基因组学研究的现状与展望NIH Roadmap表观基因组学计划的背景和意义表观基因组学计划完成情况和主要研究成果表观基因组学计划的教训与未来挑战 |
| 14:30-16:30 | **Hillary Sussman****Fred Tyson** **Thomas Gingeras****岳峰，于文强** | 师生互动交流学员学习成果汇报选取学员中优秀的Proposal进行集中展示由带教老师点评 |
| **16:30-16:40 课程闭幕式** |